

Direzione Scientifica

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

DOCUMENTO GENERICO

Pagina **1** di **7**

Codice **DO 08**

Tipologia di prestazione	Prodotto	Descrizione della pro	Referente	
Semplice	Processamento campioni ematici	separazione plasma, separazione cellule, estrazione DNA, estrazione RNA		Dott. Simeone
	Processamento campioni istologici	Campioni FFPE: taglio blocch RNA, colorazione (IHC-IF-ISH,	Dott. Ascione Dott. Simeone	
	Estrazione Acidi Nucleici (fresco paraffinato e cellule)	estrazione DNA e RNA autom	Dott. Ascione Dott. Simeone	
	Sorting campioni	Separazione e isolamento di sull'utilizzo di marcatori o pro cellule primarie o linee cellul Analisi in real-time del ciclo d superficie o intracellulari in c cellulari.	Dott.ssa Reggiani	
	Analisi qualitative e valutazione parametri qualità e quantità acidi nucleici mediant diversi approcci (nanodrop, bioanalyzer, QBit, etc)		•	Dott.ssa Torricelli Dott. Vitale
	Stoccaggio campioni	conservazione campioni seco	Dott.ssa Rossi	
Complessa (GcF)	Profili NGS	Valutazione della presenza di mutazioni somatiche da tessuti FFPE e da biopsia liquida. Analisi genomiche dei profili cromatinici (ChIPseq, ATACseq). Analisi trascrittomica in bulk (RNAseq) e a singola cellula (scRNA- seq).		Dott.ssa Torricelli
		Preparazione library NGS (semplice)	La preparazione avviene a partire dal campione biologico (tessuto o cellule) seguendo le specifiche indicazioni del protocollo relativo	Dott. Vitale



SOC Ricerca Traslazionale Direzione Scientifica

DOCUMENTO GENERICO

Pagina 2 di 7

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

Codice **DO 08**

		al profilo NGS che si desidera ottenere.	
	Corsa NGS (semplice)	Una volta verificata la qualità del profilo ottenuto, le librerie vengono quantificate e sequenziate con NextSeq500 o NovaSeq6000 (Illumina) a seconda della profondità di sequenziamento necessaria per la realizzazione di un'analisi ottimale.	Dott.ssa Torricelli Dott. Ascione
Trascrittomica digitale	(Nanostring). Sistema di ibridazione con :	ttraverso metodologia nCounter sonde coomplementari agli RNA di aomplificazione e permette una	Dott.ssa Donati
	Preparazione e corsa del campione (semplice)	A partire dall'RNA estratto reazione di ibridazione con una sonda Reporter ed una sonda Capture a cui è associato un barcode fluorescente. Purificazione degli ibridi sonda-RNA e legame su chip di lettura tramite preparatore automatico.	Dott.ssa Donati Dott. Ascione
	Analisi Dati - primaria e secondaria (semplice)	Valutazione del numero di conte per ogni target tramite lettura dei barcode fluorescenti con l' analizzatore digitale. Controllo qualità dei dati grezzi e normalizzazione delle conte mediante il software nSolver.	Dott.ssa Donati



SOC Ricerca Traslazionale Direzione Scientifica

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

DOCUMENTO GENERICO

Codice **DO 08**

Pagina 3 di 7

Trascrittomica spaziale	Analisi di espressione genica Spatial Profiler, direttamente morfologici che permettono regioni di interesse su cui svo espressione genica mediante dotate di un barcode moleco integrità del tessuto e di forn	Dott.ssa Donati	
	Preparazione campione (semplice)	Processazione del tessuto mediante un protocollo che permette la permeabilizzazione e l'esposizione dei target. Ibridazione con pannelli di sonde che, a seconda del pannello scelto, possono coprire fino all' intero trascrittoma. Staining con i marcatori morfologici necessari al fine di selezionare le regioni di interesse.	Dott.ssa Donati Dott. Ascione
	Acquisizione campione (semplice)	Visualizzazione del tessuto con il microscopio a fluorescenza integrato nello strumento. Selezione delle regioni di interesse guidata dai marcatori morfologici fluorescenti. Raccolta delle sonde ibridate al tessuto e complementari agli RNA target nelle aree selezionate, mediante illuminazione con un raggio laser.	Dott.ssa Donati
	Corsa NGS (semplice)	Utilizzando come campione di partenza le sonde raccolte nella fase precedente, costruzione delle librerie come da indicazioni di	Dott.ssa Donati Dott. Ascione



DOCUMENTO GENERICO

Pagina 4 di 7

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

Codice **DO 08**

SOC Ricerca Traslazionale Direzione Scientifica

		1 . ,,	
		1 '	
		•	
		· · ·	
		pannello e alla dimesione delle	
		regioni di interesse raccolte.	
	Analisi Dati - primaria e	Conversione dei FastQ files ottenuti	Dott.ssa Donati
	secondaria	dal sequenziamento in DCC file da	
	(semplice)	rimportare nello strumento.	
		Controllo qualità e analisi dei dati	
		condotti attraverso l'interfaccia	
		dello stumento e apposite pipeline	
		bioinformatiche fornite dal	
		produttore.	
Multiomica Single cells	Valutazione dell'espressione	genica e dei profili cromatinici con	Dott.ssa Torricelli
, , , , , , , , , , , , , , , , , , ,			
	_		
		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	Dott.ssa Torricelli
	(semplice)	· -	
		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
		secondo protocollo scelto	
	Corsa NGS	Dopo valutazione della qualità e	Dott.ssa Torricelli
	(semplice)	quantità delle library ottenute le	
		libraries vengono sequenziate su	
		sequenziatore Novaseq6000	
		secondo indicazioni del protocollo	
		e in base alla profondità di	
		sequenziamento richiesta.	
			D.II. C.L.I.
	Analisi Bioinformatiche	Applicazione di pipeline	Dott.ssa Salviato
	Analisi Bioinformatiche (semplice)	Applicazione di pipeline bioinformatiche fornite dal	Dott.ssa Salviato
			Dott.ssa Salviato
	Multiomica Single cells	secondaria (semplice) Multiomica Single cells Valutazione dell'espressione risoluzione a singola cellula. Preparazione campione (semplice) Corsa NGS	Analisi Dati - primaria e secondaria (semplice) Analisi Dati - primaria e secondaria (semplice) semplice of analisi dei dati condotti attraverso l'interfaccia dello stumento e apposite pipeline bioinformatiche fornite dal produttore. Analisi Dati - primaria e secondoti attraverso l'interfaccia dello stumento e apposite pipeline bioinformatiche fornite dal produttore. Analisi Dati - primaria e secondoti attraverso l'interfaccia dello stumento e apposite pipeline bioinformatiche fornite dal produttore. Allia Sequenziato e del campione in sospensione vitale a singola cellula. Incorporazione delle singole cellula. Incorporazione delle singole cellula in goccioline per la marcatura con barcode molecolari univoci. Preparazione delle library secondo protocollo secondo protocollo scelto Corsa NGS (semplice) Corsa NGS (semplice) Dopo valutazione della qualità e quantità delle library ottenute le libraries vengono sequenziate su sequenziatore Novaseq6000 secondo indicazioni del protocollo e in base alla profondità di



DOCUMENTO GENERICO

Pagina 5 di 7

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

Codice **DO 08**

SOC Ricerca Traslazionale Direzione Scientifica

			includono: allineamento, quantificazione dell'espressione genica o delle regioni accessibili. Utilizzo di librerie R e script dedicati per normalizzazione, clustering, identificazione dei tipi cellulari, traiettorie differenziative e integrazione multi-omica finalizzata alla ricostruzione di reti regolatorie.	
A	Analisi bioinformatiche	Sviluppo e applicazione di pip sequenziamento di nuova gei all'interpretazione biologica i visualizzazione e metodi stati	nerazione (NGS) e supporto mediante strumenti di	Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro
		Processamento dati grezzi (semplice)	Conversione dei file di output del sequenziatore (BCL > FASTQ), controllo qualità delle letture, trimming, allineamento al genoma di riferimento e generazione di matrici di espressione o accessibilità.	Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato
		Quality check (semplice)	Valutazione della qualità delle reads e delle librerie tramite strumenti dedicati (FastQC, MultiQC, Picard).	Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato
		Analisi Dati - primaria e secondaria	Analisi esplorativa dei dati: filtraggio, normalizzazione, riduzione dimensionale (PCA, UMAP). Analisi secondarie: identificazione di geni differenzialmente espressi o regioni regolatorie specifiche.	Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro



ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

DOCUMENTO GENERICO

Codice **DO 08**

Pagina 6 di 7

SOC Ricerca Traslazionale Direzione Scientifica

Analisi statistiche	Sviluppo e implementazione specifiche esigenze analitiche	Dott.ssa Donati Dott.ssa Torricelli Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro	
	Gestione database (semplice)	Organizzazione e archiviazione dei dati prodotti, mantenendo la tracciabilità dei metadati e l'integrità del flusso analitico attraverso script dedicati,.	Dott.ssa Donati Dott.ssa Torricelli Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro
	Accesso database pubblici (semplice)	Consultazione e download di dataset pubblici da repository internazionali (GEO, ENCODE, TCGA) per confronto o integrazione dei dati.	Dott.ssa Donati Dott.ssa Torricelli Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro
	Analisi Dati - primaria e secondaria (semplice)	Applicazione di test statistici per la valutazione di differenze significative tra gruppi. Correlazioni tra profili trascrizionali ed epigenetici. Supporto all'interpretazione biologica dei risultati. Visualizzazione dei risultati (grafici, heatmap, UMAP) e generazione di report automatici. Supporto all'interpretazione con strumenti interattivi.	Dott.ssa Donati Dott.ssa Torricelli Dott.ssa Manicardi Dott.ssa Salviato Dott. Di Chiaro



Direzione Scientifica

DOCUMENTO GENERICO

Pag	ina	7	di	7	
ug	11114	•	u	•	

ELENCO DELLE PRESTAZIONI EROGATE DALLA SOC RICERCA TRASLAZIONALE

Codice **DO 08**

EMIS:	Data Emissione:	Data entrata in vigore:	REDATTO DA:	Pagine modificate	Tipo di modifica	Verificato da:	Approvato da:
						FIRMA	FIRMA
00	30/07/2025	07/08/2025	Teresa Rossi Alessia Ciarrocchi	/	Prima stesura	Nunzio Simeone FIRMA	Antonino Neri FIRMA