



Genomic CORE (gCORE) Facility

Alessia Ciarrocchi

APPLICATIVI DISPONIBILI

Profili Genetici	Whole genome sequencing (WGS) Ultra low pass whole genome sequencing (ULP-WGS) Exome sequencing (WES) Amplicon sequencing, Targeted sequencing,
Trascrittomica	Whole transcriptome sequencing, Poly-A enrichment, Ribodepletion, SMART-Seq for ultra-low input,
Analisi della Cromatina (struttura e Funzione)	ChIP-Seq CUT&RUN, ATAC-Seq
Single Cells	10X Genomics scRNA-Seq, 10X Genomics Multiome
Spatial Transcriptomics	Nanostring GeoMx-DSP
Digital Barcoding	Nanostring Encounter

STAFF

Benedetta Donati	Spatial transcriptomics Digital transcriptomics Liquid Biopsy
Federica Torricelli	Genetic Profilings Bulk transcriptomics sc_multiomics
Emanuele Vitale	Chromatin analysis (ChIP-seq, ATAC-seq)
Veronica Manicardi	Bioinformatics
Elisa Salviato	Bioinformatics
Pierluigi Di Chiaro	Bioinformatics
Cristian Ascione	Tecnico

FUNZIONI VERSO L'ESTERNO

TRASFERIMENTO TECNOLOGICO



PRESTAZIONI DI RICERCA



Tecnologie di Sequenziamento (Illumina): NovaSeq 6000, NextSeq 500, MiSeq